



Objetivo del proyecto

Poner a disposición de la comunidad científica un corpus biomédico exhaustivo que permita ejecutar tareas de Procesamiento de Lenguaje Natural (PLN) sobre grandes volúmenes de texto.

El corpus se compone de 1.000 casos clínicos anonimizados que se anotan en tres niveles lingüísticos:

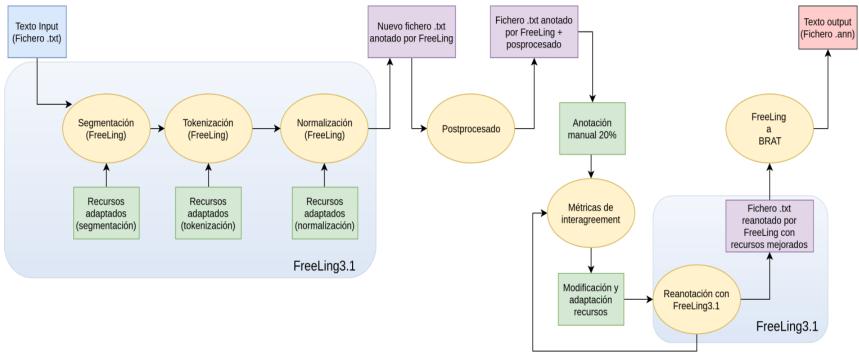
- 1.- segmentación de oraciones
- 2.- segmentación de formas o tokenización
- 3.- etiquetado morfológico (POS).

Ejemplo de narrativa clínica

Varón de 36 años, sin antecedentes de interés, que fue estudiado en la consulta de medicina interna por presentar masa inquinoescrotal izquierda dolorosa a la palpación de dos meses de evolución, sin pérdida de peso ni síndrome miccional. A la exploración, los testes eran de tamaño y consistencia normales, con un cordón espermático izquierdo indurado y muy doloroso. La ecografía testicular fue normal. La CT de abdomen-pelvis reveló masa de 6 x 3 centímetros en el trayecto del cordón espermático izquierdo sin objetivarse imágenes de afectación retroperitoneal. Con el diagnóstico de tumor paratesticular izquierdo fue intervenido, encontrándose una masa en cordón espermático y realizándose biopsia intraoperatoria informada como proliferación neoplásica de aspecto miofibroblástico no linfomatosa, por lo que se realizó orquiectomía radical izquierda reglada. La anatomía patológica fue de rabdomiosarcoma pleomórfico del cordón espermático, teste y epidídimo normales y negatividad de los márgenes de resección. Posteriormente el paciente ha recibido varios ciclos de quimioterapia con adriamicina e ifosfamida + MESNA. En las pruebas de imagen de control a los cuatro meses de la cirugía, no se objetivan recidivas tumorales.



Procedimiento proyecto completo





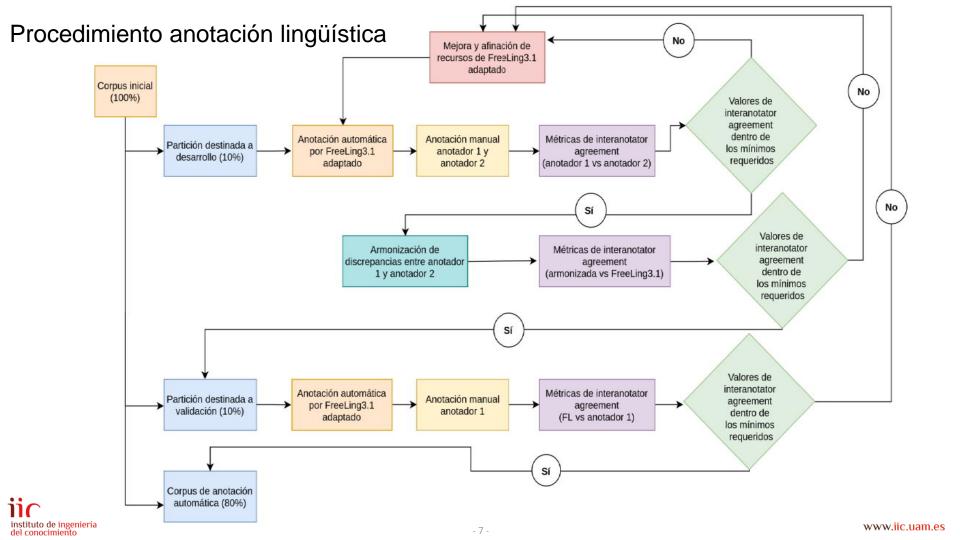
- Tres guías de anotación:
 - Split
 - Tokenización
 - POS
- Fijar los criterios de anotación e identificación de casos excepcionales.
 - Abreviaturas
 - Expresiones alfanuméricas
 - Nombres de medicamentos





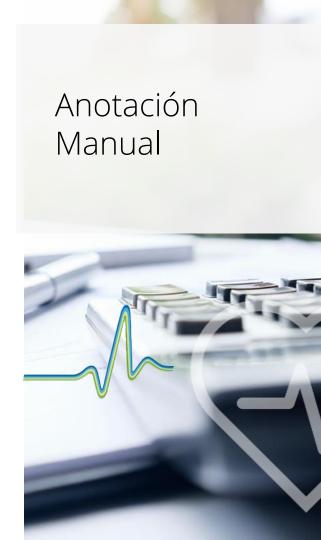


- Archivo SingleWords de dominio médico (16800 formas de 8998 formas no reconocidas por FreeLing)
- Tokenizer (243 siglas y abreviaturas)
- Usermap (557 expresiones alfanuméricas)



- Dos anotadores.
- 10% de desarrollo del corpus:

 100 casos clínicos anotados sobre la anotación realizada con Freeling3.1 modificado para el dominio médico.
- Aplicación de criterios establecidos en las guías.
- Detección de posibles contraejemplos.





Valores mínimos de acuerdo entre anotadores requeridos:

Split	Token	POS
99%	98%	96%





% de discrepancia entre anotadores y FreeLing3.1 (sobre 10% desarrollo):

	Split	Token	POS
A1 vs A2	99.79%	99.96%	98.84%
A1 vs FrL	99.51%	99.95%	98.13%
A2 vs FrL	99.72%	99.96%	98.53%

A1= Anotador 1 A2 = Anotador 2 FrL= FreeLing3.1





- Resolución de discrepancias entre A1 y A2.
- Resultado: Gold Standard (GS)
- Cambios y mejoras en Freeling3.1





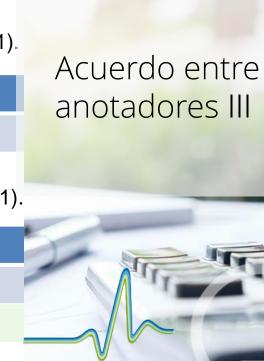
% acuerdo sobre 10% desarrollo (sin mejoras en FreeLing3.1).

	Split	Token	POS
GS vs FrL	99.51%	99.95%	97.89%

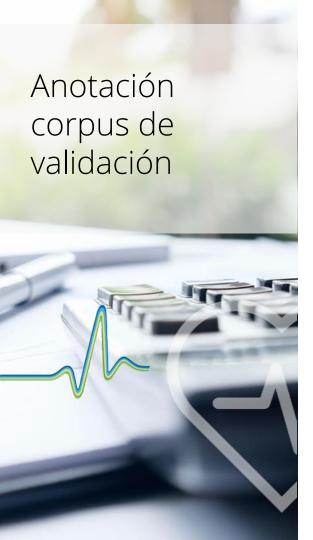
% acuerdo sobre 10% desarrollo (con mejoras en FreeLing3.1).

	Split	Token	POS
GS vs FrL	99.51%	99.95%	98.1%
Requerido	99%	98%	96%

GS=Gold Standard FrL= FreeLing3.1







- El 10% de validación es anotado por:
 - FreeLing3.1 adaptado al dominio médico (todas las mejoras incluidas).
 - Anotador 1 (siguiendo los criterios del GS)
- % de split, token y POS

	Split	Token	POS
GS vs FrL	99.37%	99.97%	98.85%
Requerido	99%	98%	96%



Metodología empleada

El éxito en estas métricas se debe al trabajo del equipo de expertos lingüistas computacionales, que ha estudiado a fondo casos específicos de la terminología para adaptar las herramientas de análisis del lenguaje estándar al dominio médico: en total, más de 300.000 palabras, 64.000 oraciones y 18.000 lemas diferentes se anotaron lingüísticamente, además de casos excepcionales del dominio médico (abreviaturas, unidades de medida, siglas, expresiones alfanuméricas...) para poner a disposición de la comunidad científica y la industria médica una rigurosa metodología de anotación.

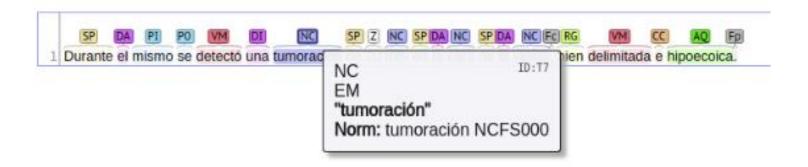
Traducción a BRAT

Durante durante SPS00	T1	SP 0 7	Durante
	#1	Norm T1	durante SPS00
el el DAOMSO	T2	DA 8 10	el
	#2	Norm T2	el DAOMSO
mismo mismo PIOMS000	Т3	PI 11 16	mismo
	#3	Norm T3	mismo PIOMS000
se se P00CN000	Т4	PO 17 19	se
	#4	Norm T4	se P00CN000
detectó detectar VMIS3S0	T5	VM 20 27	detectó
	#5	Norm T5	detectar VMIS3S0
una uno DIOFSO	T 6	DI 28 31	una
	#6	Norm T6	uno DIOFSO
tumoración tumoración NCFS000	Т7	NC 32 42	tumoración
	#7	Norm T7	tumoración NCFS000
de de SPS00	A7	EM T7	
	T8	SP 43 45	de
20 20 Z	#8	Norm T8	de SPS00
	Т9	Z 46 48	20
mm milímetro NCMN000	#9	Norm T9	20 Z
	T10	NC 49 51	mm
	#10	Norm T10	milímetro NCMN000



www.iic.uam.es

Visualización en BRAT

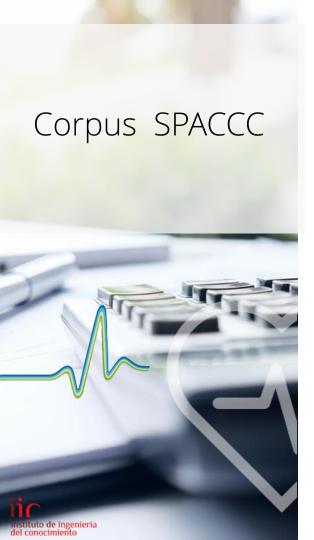




Entregables

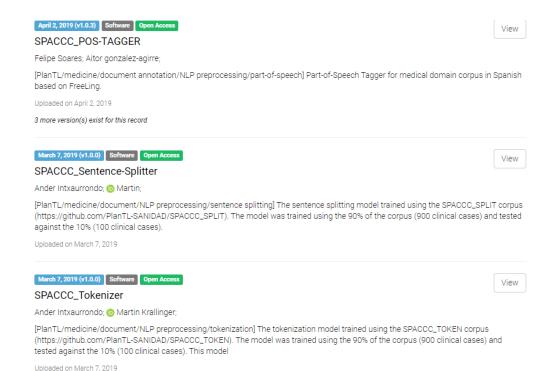
- 0. Corpus completo anotado con baselines.
- FreeLing3.1 adaptado al dominio médico (en Docker).
- 2. Ficheros de FreeLing3.1 adaptados
- 3. Guías de anotación.
- 4. Corpus revisado en tres niveles por 2 expertos (20%).
- 5. Corpus completo anotado por FreeLing3.1 adaptado al dominio médico.
- Informe de acuerdo entre anotadores.
- 7. Corpus completo anotado con BRAT.
- 8. Script de FreeLing3.1 a BRAT (en Docker).





Recursos accesibles:

https://zenodo.org/communities/medicalnlp/search?page=1&siz e=20





C/ Francisco Tomás y Valiente, nº 11 EPS, Edificio B, 5ª planta UAM Cantoblanco. 28049 Madrid Tel.: (+34) 91 497 2323











Elementos gráficos de apoyo obtenidos en: designed by ***** freepik.com

